Quitina, quitosana e celulose: Um estudo comparativo usando métodos *ab initio* e semi-empírico.

Paulo M. S. Viana¹ (IC), Hermes F. Souza¹(PQ)^{*} e Oyrton A. C. M. Júnior¹ (PQ) - hermes@unifor.br

1. Universidade de Fortaleza – UNIFOR – Av. Washington Soares, 1321. Fortaleza – CE, 60811-905

Palavras Chave: quitina, quitosana, celulose.

Introdução

A quitina e a celulose são biopolímeros encontrados em abundância na natureza¹. A quitina é um polissacarídeo natural, biodegradável e não tóxico encontrado em ambientes marinhos, em invertebrados de terra e alguns fungos. Já a quitosana é obtida da desacetilação da quitina e a celulose é um polímero de cadeia longa composto de um só monômero da alucose sendo um dos principais constituintes das paredes celulares das plantas. Devido a grande similaridade estrutural entre estes biopolímeros uma enorme confusão estabeleceu-se entre eles e manteves-se até o início do século XX, quando as pesquisas demosntraram que tratavam de substâncias diferentes². O objetivo deste trabalho foi avaliar a capacidade de alguns modelos teóricos de estrutura eletrônica em reproduzir estruturas, parâmetros geométricos e freqüências vibracionais destes biopolímeros. Os cálculos foram realizados em nível semi-empírico usando o hamiltoniano AM1 e em nível ab initio, baseados na teoria Hartree-Fock e na teoria do funcional de densidade utilizando o funcional B3LYP. Os cálculos foram realizados com os conjuntos de base: STO-3G, 6-31G e 6-311G utilizando o programa Gamess3 versão para o Windows e para visualização dos arquivos de saída foram utilizados o programa Molekel. Para cada nível de teoria as geometrias moleculares da quitina, quitosana e celulose foram otimizadas servindo como partida para os cálculos de freqüência vibracional.

Resultados e Discussão

Geometria de equilíbrio: Os valores de comprimentos de ligação calculados foram comparados com valores de ligação de compostos orgânicos de acordo com Gray⁴. Os resultados obtidos para o três biopolímeros foram mais bem descritos utilizando o método HF/6-311G que apresentou um erro médio para as ligações entre C-O, C=O, C-C, C-H, C-N, O-H de 0,12%, 0,04%, 1,29%, 2,25%, 1,14% e 093%, respectivamente. As cargas atômicas foram avaliadas usando a análise populacional de Mulliken nos três níveis de teoria. Foi observado que enquanto os métodos ab initio apresentaram valores mais próximos entre si, no método AM1 estes valores ficaram muito distantes. 32ª Reunião Anual da Sociedade Brasileira de Química

No entanto observa-se a mesma tendência, ou seja, a concentração de carga ocorre sobre os átomos mais eletronegativos.

Freqüências vibracionais As freqüências teóricas foram calculadas nos três níveis de teoria e os espectros foram gerados utilizando o programa Molekel com a curva ajustada utilizando uma função gaussiana. Observa-se que os espectros da quitosana e celulose apresentam semelhancas de absorção na região de 3200 a 4000 cm⁻¹, estas absorções podem ser relacionadas a superposição de estiramentos de grupo O-H que apresenta absorção na região de 3.400-3.700 cm⁻¹. Esta banda está presente também na quitina, só que deslocada para 3400 cm⁻¹. Na região de 2000 a 3000 cm⁻¹ os espectros da quitina, quitosana e celulose apresentam mesma estrutura. No entanto, no espectro da quitina observamos um pico em torno 3200 cm⁻¹ associada ao grupo amida (N-C=O) e ausente na celulose e na quitosana. Na região de 500 a 2000 cm⁻¹, podemos observar no espectro da quitina uma banda em torno de 1600 cm⁻¹ atribuída a uma deformação axial C=O presente em sua estrutura

Conclusões

Pode-se concluir que cálculos ab initio e semiempiricos representam uma metodologia realística para predizer e auxiliar nas propriedades moleculares observadas experimentalmente. Em relação aos comprimentos de ligações calculados os resultados empregando-se o método Hartree-Fock com o conjunto de bases 6-311G, foi o que apresentou uma maior concordância com valores experimentais em relação aos métodos DFT/B3LYP e ao método semi-empirico AM1. As freqüências vibracionais foram encontradas um pouco super estimada, no entanto, os resultados obtidos com o método DFT/B3LYP apresentou uma melhor concordância.

¹ Guinese, L. S.; Esteves, A. A. e Cavalheiro, E. T. *Química Nova*. **2007**, 30, 809.

² Monteiro Junior, O. A. C. *Tese de Doutorado*. Universidade Estadual de Campinas, Brasil, **1999**.

³ Gordon, M. W. e Schimidt, M. W. Advances in structure theory: GAMESS a decade later. In: Dykstria, C. E.; Frenking, G.; Kim, K. S. e Scuseria, G. E. Theory and applications of computational chemistry: the first forty years. Amsterdam: Elsevier. **2005**.

⁴ Gray, H. B. Electrons and Chemical Bonding. New York: W. A. Benjamin **1965**.